SEQUENCE LISTING

(O'Hare, Peter Francis Joseph Normand, Nadia Michelle				
<120>	DELIVERY OF SUBSTANCES TO CELLS		•		
<130>	5759-54451				
<140> <141>	•				
<150> <151>					
<150> <151>					
<160>	12				
<170>	PatentIn version 3.1			4	
<210><211><211><212><213>	20 DNA	·			
<220> <223>		·			
<400> ccccca	1 accac ttcccctctc			2	20
<210><211><212><213>	40 DNA	•		,	
<220> <223>	•				
<400> tcctcg	2 gecet tgeteaceat ggtggegaec ggtggatece			4	40
<210><211><211><212><213>	20 DNA				
<220> <223>		,			
<400> cccttg	getca ccatggtgge				20

<210> 4

<211>	25 · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·				
<212>	DNA				
<213>	Artificial Sequence				
<220>					•
<223>	Oligonucleotide primer				
<400>	4				
					25
accatgg	gtgg cgaccggtgg atccc				23
<210>	5 20				
<211>					
	DNA	•	•		
<213>	Artificial Sequence			•	
<220>					•
<223>	Oligonucleotide primer			•	
<400>	5				
	ctca ccatggtggc				20
00000				·	
210				•	
<210>	6		•		
<211>	20			•	•
<212>	DNA Artificial Sequence			•	
<213>	Artificial Sequence				
<220>		•		•	
<223>	Oligonucleotide primer				
<400>	6				
	ccac ttcccctctc				20
CCCCC					
			•		
<210>	7				
<211>	131				
<212> <213>	DNA Artificial Sequence	•			
<220>					
<223>	Oligonucleotide primer				
<400>	7				
	atgg ggcaggtggg acggcagctc	gccatcatcg	gggacgacat	caaccgacgc	60
tatoqq	gatc cegatagegt eggttgatgt	cataccaat	gatggcgagc	toccotccca	120
242099			555-5-5		
cctgcc	ccat g	•			131
<210>	8				
<211>	36			•	
<212>	RNA				
<213>	Artificial Sequence				
000					•
<220> <223>	Oligonucleotide primer			•	
~~~	orradiucteoetae primer	•		•	
<400>	8				

guuuuc	ccug augaggccga aaggccgaaa uucucc		36
<210><211><211><212><213>			
<220> <223>	Oligonucleotide primer		
<400> ccccca	9 accac ttcccctctc		20
<210><211><212><213>	•		
<220> <223>	Oligonucleotide primer		
<400> ccacac	10 eegae ggegeee		1,7
<210><211><211><212><213>	20 DNA		
<220> <223>	Oligonucleotide primer		
<400> tcccgc	11 cctgt gacatgcatt		20
<210><211><211><212><213>			
<400>			
Met Th	hr Ser Arg Arg Ser Val Lys Ser Gly Pr 5 10	ro Arg Glu Val Pro Arg 15	

Asp Glu Tyr Glu Asp Leu Tyr Tyr Thr Pro Ser Ser Gly Met Ala Ser 20 25 30

Pro Asp Ser Pro Pro Asp Thr Ser Arg Arg Gly Ala Leu Gln Thr Arg 35 40 45

Ser Arg Gln Arg Gly Glu Val Arg Phe Val Gln Tyr Asp Glu Ser Asp 50 55 60

- Tyr Ala Leu Tyr Gly Gly Ser Ser Ser Glu Asp Asp Glu His Pro Glu 65 70 75 80
- Val Pro Arg Thr Arg Arg Pro Val Ser Gly Ala Val Leu Ser Gly Pro 85 90 95
- Gly Pro Ala Arg Ala Pro Pro Pro Pro Ala Gly Ser Gly Gly Ala Gly 100 105 110
- Arg Thr Pro Thr Thr Ala Pro Arg Ala Pro Arg Thr Gln Arg Val Ala 115 120 125
- Thr Lys Ala Pro Ala Ala Pro Ala Ala Glu Thr Thr Arg Gly Arg Lys 130 135 140
- Ala Pro Thr Arg Ser Lys Thr Pro Ala Gln Gly Leu Ala Arg Lys Leu 165 170 175
- His Phe Ser Thr Ala Pro Pro Asn Pro Asp Ala Pro Trp Thr Pro Arg 180 185 190
- Val Ala Gly Phe Asn Lys Arg Val Phe Cys Ala Ala Val Gly Arg Leu 195 200 205
- Ala Ala Met His Ala Arg Met Ala Ala Val Gln Leu Trp Asp Met Ser 210 215 220
- Arg Pro Arg Thr Asp Glu Asp Leu Asn Glu Leu Leu Gly Ile Thr Thr 225 230 235 240
- Ile Arg Val Thr Val Cys Glu Gly Lys Asn Leu Leu Gln Arg Ala Asn 245 250 255
- Glu Leu Val Asn Pro Asp Val Val Gln Asp Val Asp Ala Ala Thr Ala 260 265 270
- Thr Arg Gly Arg Ser Ala Ala Ser Arg Pro Thr Glu Arg Pro Arg Ala 275 280 285
- Pro Ala Arg Ser Ala Ser Arg Pro Arg Arg Pro Val Glu 290 295 300